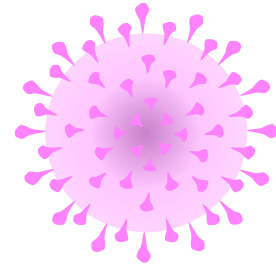




## Covid-19 en het paard

Prof. Dr. Hans Nauwynck



Het equin coronavirus (ECV) komt voor bij het paard. Het behoort samen met het bovien coronavirus, het porcien hemagglutinerend encephalomyelitis virus en het muizen hepatitis virus tot de genetische lijn A van de betacoronavirussen. Het ECV heeft hoofdzakelijk een tropisme voor het gastrointestinaal stelsel en is de oorzaak van diarree bij het paard. Mortaliteit wordt meestal niet gezien. Veel subklinische infecties treden op. Dit virus is zeer gastheerspecifiek. Het is nooit teruggevonden bij andere diersoorten.

Het Severe Acute Respiratory Syndrome (SARS) coronavirus en Middle East Respiratory Syndrome (MERS) coronavirus hebben de voorbije decennia uitbraken van erge respiratoire problemen gegeven bij de mens met hoge mortaliteit. Het gaat hier over betacoronavirussen van de genetische lijnen B en C. Ze zijn afkomstig van vleermuizen en na een tussensprong in een zoogdier (civetkat bij SARS en kameelachtigen bij MERS) zijn ze bij de mens terecht gekomen. Enkel bij het SARS coronavirus werden een paar huisdieren (katten) positief getest in woningen waar ook patiënten aanwezig waren en konden katten experimenteel geïnfecteerd worden. Er werd echter nooit kliniek gezien. Dit heeft niet geleid tot een verdere circulatie van het SARS coronavirus bij de kat. Deze virussen zijn toen nooit overgesprongen naar andere diersoorten, inclusief het paard.

Covid-19 virus vertoont genetisch een 70% homologie met het SARS coronavirus. Het is opnieuw afkomstig van vleermuizen en heeft waarschijnlijk een gordeldier als tussengastheer gebruikt om finaal bij de mens te komen. Het virus verspreidt heel gemakkelijk van mens tot mens en is de oorzaak van de huidige pandemie. Hoeveel mensen geïnfecteerd zijn, is koffiedik kijken. Enkel de klinisch zieke mensen komen in beeld. Mensen met een subklinische infectie of met lichte problemen seroconverteren en blijven onder de radar. Dit betekent dat we een zeer zware onderschatting maken van het aantal mensen die geïnfecteerd geweest zijn. Alleen een Covid-19 specifieke serologische test kan hier een antwoord op geven maar is momenteel nog niet beschikbaar. In Hongkong werd recent een kerngezond huisdier (hond) zwak positief getest. De eigenaar van deze hond was zwaar ziek ten gevolge van een infectie met het Covid-19 virus. De meest voor de hand liggende oorzaak is een toevallige contaminatie van de neus met een positieve PCR test tot gevolg. Mocht de hond echt gevoelig geweest zijn dan zou een sterk positieve reactie verwacht zijn. Dus tot op heden zijn er geen indicaties dat dit virus zal spreiden binnen de hondenpopulatie. Tot op heden werden er ook geen meldingen gemaakt van andere diersoorten, inclusief het paard, die geïnfecteerd kunnen worden met het Covid-19. Dit is ook niet direct te verwachten. Het coronavirus is momenteel zeer sterk gericht op de mens en zal zomaar niet overal rondspringen naar andere diersoorten.

Aan het Laboratorium voor Virologie is momenteel een technologie ontwikkeld dat het mogelijk maakt om van elk staal het viroom (genetische informatie van alle aanwezige virussen) te bepalen. Mocht het Covid-19 virus toch spreiden bij andere diersoorten, inclusief het paard, dan zullen we dit virus zeker kunnen oppikken uit neusswabs. Wij staan alvast klaar om de nodige testen uit te voeren. Je kan ons steeds contacteren voor meer informatie ([hans.nauwynck@ugent.be](mailto:hans.nauwynck@ugent.be) of [sebastiaan.theuns@ugent.be](mailto:sebastiaan.theuns@ugent.be)) of voor het opsturen van stalen.